

## Twitter Thread by Billy Bostickson ■■&■ ■



**Billy Bostickson ■■&■ ■**

[@BillyBostickson](#)



### 1. A little DRASTIC Project you may be able to help with?

We want to collate all references to DRASTIC in academic papers & media articles

Here are a few:

medium article by [@emmecola](#)

thorough report by [@netpoette](#)

@ColinDavdButler 's Paper

Please add any links to this thread. Tks!



### 2. More References

Papers by [@MonaRahalkar](#) and [@BahulikarRahul](#)

Papers by [@Rossana38510044](#) and [@ydeigin](#)

Medium articles & papers by

[@gdemaneuf](#) & [@Rdemaistre](#)

Papers by [@flavinkins](#) (Daoyu Zhang)

Papers by "Anon" & "interneperson"

French News - le Monde

Can anyone remember any more?

### 3. More References

Papers & Blog Posts by [@Harvard2H](#) (Sirotkin & Sirotkin)

260 Questions for WHO collated by [@billybostickson](#)

If you find mentions of our individual names or "DRASTIC" in Papers or News, please forward here to this thread as links or screenshots.

---

## – FranceSoir

---

Cependant, il s'avère que les noms des fichiers de lecture des séquençages brutes du RaTG13, téléchargés vers la banque de données internationale GenBank, ont été trouvés par un membre anonyme de DRASTIC (Decentralized Radical Autonomous Search Team Investigating Covid-19) - une équipe d'enquêteurs indépendants sur le Covid-19. Les noms des fichiers indiquent que les expériences de séquençage se seraient étalées sur 15 mois, entre juin 2017 et septembre 2018. Nous pensons que les dates des fichiers sont fantaisistes par ce qu'en réalité le séquençage moderne d'un virus ne prend pas autant de temps. La Chine a annoncé le séquence du SARS-Cov2 dès le 13 janvier. Shi Zheng Li publie dans Nature qu'elle a séquencé le virus BaTG13 durant le mois de janvier suite au séquençage du SARS-Cov2. L'Institut Pasteur a séquencé le génome du SARS-Cov2 à partir de patients français infectés en 3 jours (en routine cela prend 10 jours). Donc, une opération de séquençage étalée sur 15 mois semble être une désinformation orchestrée pour entretenir le flou sur le date réelle du séquençage du RaTG13 à l'Institut de virologie de Wuhan. Cela permet peut-être de couvrir d'autres problèmes potentiels. Certains des quelques 28 collaborateurs de Shi Zheng Li, coauteurs de la publication dans Nature, ne pouvaient ignorer que les noms des fichiers officiellement déposés dans GenBank étaient en contradiction flagrante avec le texte de l'article accompagnant le dépôt de la séquence du RaTG13.

SARS-CoV-2: lab-origin hypothesis gains traction  
BY ANNETTE GARTLAND ON OCTOBER 12, 2020  
<https://t.co/sPs1y8Herg>

Working behind the scenes, there is a team of scientists, journalists, and other independent researchers who refer to themselves collectively as **DRASTIC** (Decentralised Radical Autonomous Search Team Investigating Covid-19). They investigate anomalies in the narratives about SARS-CoV-2, collect and present evidence, and put forward questions and hypotheses.

**[UPDATE]** The **DRASTIC** team has launched a [petition](#) that is in the form of an open letter to the World Health Organisation's Covid-19 international investigation team.

There are serious concerns about the makeup of the WHO team, and not least the presence of the president of the US-based EcoHealth Alliance, Peter Daszak, who has had a long-standing involvement in gain-of-function research projects in China.

The WHO's [terms of reference](#) do not even mention a possible laboratory origin.

September 14, 2020

Proposed SARS-CoV-2 Spillover During 2019 Review of Samples from a Mineshaft in Mojiang, Yunnan Province, China

by Anon

<https://t.co/lz8puEfkTk>

Proving how SARS-CoV-2 managed to infect humans may be impossible, owing to the destruction of evidence<sup>135</sup> including orders to destroy samples<sup>136</sup> and strict control on the flow of information. Investigation by researchers not under the influence of the CCP is essential, as the Chinese government has decreed that all research into the origins of SARS-CoV-2 in China must be reviewed by the government before publication<sup>137</sup>.

#### Acknowledgements

Many thanks to @BillyBostickson, @franciscodeasis, @luigi\_warren, @TheSeeker268 and others in DRASTIC for publicly sharing your excellent research into Wuhan labs, lab waste disposal, early discussion of the Wuhan pneumonia outbreak and the pneumonia outbreak connected to the Mojiang mineshaft. Many thanks also to @schnufi666 for your correction relating to the publication date of the RaTG13 amplicon sequences in the 18 June 2020 version of this article<sup>138</sup>.