

Twitter Thread by Coroldo1



Coroldo1

[@coroldo1](#)



#SARSCOV2 #origin This thread is about analysis of origin search of SARS-COV-2 in various outbreaks in China. The 'origin search' is more for epi purpose, not quite similar as the 'origin research' in viral evolution. Of course, first cases and Huanan market include here.

1/n

#SARSCOV2 #origin First, let's have some taste of the mutation analysis of full genome sequencing with some covid-19 patients in Wuhan, by #IVDC

2/n

武汉市部分新型冠状病毒感染者的全基因组序列分析

截止6月7日,中国疾病预防控制中心病毒病所对湖北省武汉市两批次采集的样本进行了全基因组序列测定和分析,包括2020年1月初第一批次从9名疑似患者采集的样本(与华大基因合作,共获得8个病毒全基因组和2个部分基因组),第二次对4名患者采样(获得4个病毒全基因组),分析结果如下:

(一) 早期湖北武汉新型冠状病毒的全基因组序列分析

在2019年12月23日至12月27日期间,对来自武汉的至少3家医院就诊的9例病毒性肺炎患者采集支气管肺泡灌洗液或咽拭子样本,即WH19001、WH19002、WH19004、WH19005、WH19008、YS8011、WH01、WH02、WH03和WH04。其中有8名患者曾去过华南海鲜市场,其余一名患者(WH04)在2019年12月23日至12月27日期间没有去过市场,但住在市场附近的一家旅馆。所有收集的样品由BGI和中国疾病预防控制中心测序完成,从分析的9位患者的样本中获得了2019-nCoV的8个完整的和2个部分基因组序列。除WH04的基因组在特征性位点8782位和28144位分别为碱基T和C外,其他所有序列在8782位和28144位均分别为碱基C和T,说明WH04为S基因型,其他均为L基因型特征。

8个完整的基因组几乎是相同的,序列同源性超过99.99%,来自样品WH02和WH19002的部分基因组在其对应的基因区域与全长基因组的相似性接近100%同源性,表明2019-nCoV最近才出现在人类中。对2019-nCoV的编码区预测发现,它们具有与bat-SL-CoVZC45、

#SARSCOV2 #origin Then, the set up of task force to assess the food safety risk of potential transmission via cold chain.

3/n

国家卫生健康委员会司(局)便函

国卫食品监便函〔2020〕198号

国家卫生健康委食品司关于印发冷链食品 与新冠病毒传播风险评估研判及应对工作 专班方案的函

中国疾病预防控制中心、国家食品安全风险评估中心：

根据中央领导同志重要批示精神，按照国务院应对新冠肺炎疫情联防联控机制的工作部署，我委组织进一步深入开展冷链食品与新冠病毒传播风险的评估研判及应对工作。为强化工作组织和技术保障，确保评估研判工作顺利推进，在前期与你中心充分研究沟通的基础上，我司组织成立冷链食品与新冠病毒传播风险评估研判及应对工作专班（以下简称工作专班），并制定工作方案。现印发你们，请认真落实。

国家卫生健康委食品司

2020年7月31日

（信息公开形式：不予公开）

#SARSCOV2 #origin

Initial results of the first batch of samples from Wuhan on 2nd January 2020. After Visionmedicals & BGI got their preliminary results ID as SARSr-CoV. 4/n

首例样本

- 晚11点，流感室收到单引物全基因组随机扩增样本2份，编号WH02、WH04
- 两份样本均使用Illumina平台iSeq进行二代测序，其中WH04号样本使用Nanopore平台MinION进行三代测序



CHINESE CENTER FOR DISEASE CONTROL AND PREVENTION

#SARSCOV2

4 samples received around GMT+8 12:30, pan-beta-COV(RdRp) qPCR performed, Ct value around 34. Common respiratory pathogens screening via qPCR in parallel, started viral inoculation in three cell lines, Vero E6, Huh-7, human respiratory epithelial cells.